



Universidade Federal do Ceará
Pró-Reitoria de Pesquisa e Pós-Graduação
Coordenadoria de Pesquisa e Ensino

FORMULÁRIO PARA CRIAÇÃO DE COMPONENTE CURRICULAR

1. IDENTIFICAÇÃO DO PROGRAMA

Programa PÓS-GRADUAÇÃO EM BIOQUÍMICA

2. TIPO DE COMPONENTE

Atividade () Disciplina (X) Módulo ()

3. NÍVEL

Mestrado (X) Doutorado (X)

4. IDENTIFICAÇÃO DO COMPONENTE

Nome: CIP6244-TÓPICOS EM BIOLOGIA MOLECULAR DE PLANTAS

Carga Horária Prática: -

Carga Horária Teórica: 64 h

Nº de Créditos: 4 créditos

Obrigatória: Sim () Não (X)

Área de Concentração:

5. DOCENTE RESPONSÁVEL

FRANCISCO DE ASSIS PAIVA CAMPOS

6. JUSTIFICATIVA

A biologia molecular é uma área da biologia muito importante para o entendimento de muitos processos bioquímicos e fisiológicos. Desta forma é de grande interesse aprofundar esse conhecimento em áreas específicas da biologia molecular.

7. OBJETIVOS

Dar ao estudante a oportunidade de aprofundar seus conhecimentos em uma área particular da biologia molecular de plantas, especialmente em área relacionada com sua tese ou dissertação.

8. EMENTA

Leitura dirigida de artigos/livros relacionados com uma área particular de interesse em biologia molecular do estudante

9. PROGRAMA DA DISCIPLINA/ATIVIDADE/MÓDULO

O programa da disciplina será elaborado a partir de uma discussão professor/aluno. Cada aluno matriculado na disciplina poderá escolher as áreas da biologia molecular de seu interesse.

10. FORMA DE AVALIAÇÃO

A avaliação será baseada na análise de monografia a ser apresentada no final do curso por cada aluno matriculado. Esta monografia constará basicamente na análise do estado-da-arte do conhecimento sobre a área da biologia molecular de plantas escolhida pelo estudante.

11. BIBLIOGRAFIA

Bibliografia será moldada em função da área de interesse de cada estudante matriculado na disciplina, contudo segue algumas referências básicas.

- Baum, J.A. et al. (2007). **Control of coleopteran insect pests through RNA interference**. NATURE BIOTECHNOLOGY 25, 1322-1326.
- Bhatia, G. et al. (2017). **Present Scenario of Long Non-Coding RNAs in Plants**. Non-coding RNA 2017, 3, 16; doi:10.3390/ncrna3020016
- Bridgham,J.T. et al. (2009). **An epistatic ratchet constrains the direction of glucocorticoid receptor evolution**. NATURE 461, 515-519.
- Chen, X. et al. (2012). **Secreted microRNA: A new form of intercellular communication**. TRENDS IN CELL BIOLOGY 22(3), 125-135.
- Davies, P.C.W. (2019). **Signatures of a shadow biosphere**. DOI: 10.1089/ast.2008.0251
- Derrien, B. et al. (2012). **Degradation of the antiviral component ARGONAUTE1 by the autophagy pathway**. PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES (USA) 109(39), 15942-15946.
- Doonan, J.H. and Sablowski, R. (2011). **Walls around tumours — why plants do not develop cancer**. NATURE 10, 794-802.
- Eamens, A. et al. (2008). **RNA Silencing in Plants: Yesterday, Today, and Tomorrow**. PLANT PHYSIOLOGY 147, 456–468.
- Gao, C.(2018). **The future of CRISPR technologies in agriculture**. NATURE REVIEWS 19, 1-2.
- Gibson, D.G. et al. (2010). **Creation of a Bacterial Cell Controlled by a Chemically Synthesized Genome**. SCIENCE 329(5987), 52-56.
- Goldenfeld, N. and Woese, C. (2007). **Biology's next revolution**. NATURE 445, 369.
- Hamilton, A.J. and Baulcombe, D.C. (1999). **A species of small antisense RNA in posttranscriptional gene silencing in plants**. SCIENCE 282: 950-952.
- Hou, A. et al. (2019). **Non-coding RNAs and transposable elements in plant genomes: emergence, regulatory mechanisms and roles in plant development and stress responses**. Planta 250:23–40
- Ishino, Y. (2018). **History of CRISPR-Cas from encounter with a mysterious repeated sequence to genome editing**. Journal of Bacteriology doi:10.1128/JB.00580-17
- Jeong, B. and Guerinot, M.L. (2008). **Biofortified and bioavailable: The gold standard for plant-based diets**. PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES 105 ,1777–1778.
- Jiang, H. and Kohler, C. (2012). **Evolution, function and regulation of genomic imprinting in plant seed development**. JOURNAL OF EXPERIMENTAL BOTANY 63(13), 4713-4722.
- Knip, M.M.E. et al. (2014). **Trans-kingdom Cross-Talk: Small RNAs on the Move**. PLOS Genetics 10 (9) e1004602.
- Kong-Ming Wu, et al. **Suppression of Cotton Bollworm in Multiple Crops in China in Areas with Bt Toxin Containing Cotton** (2008). SCIENCE 321, 1676-1680.
- Korth,K.L. and Dixon,R.A. (1997). **Evidence for chewing insect-specific molecular events distinct from a general wound response in leaves**. PLANT PHYSIOLOGY 115:1299-1305.
- Li, J. et al. (1996). **A role for Brassinosteroids in Light-Dependent Development of Arabdopsis**. SCIENCE 272, 398-400.

- Lilley, C.J. et al. (2012) **RNA interference in plant parasitic nematodes: a summary of the current status.** PARASITOLOGY, DOI: 10.1017/S0031182011002071
- Madpur, M. and Abdullhah, S.N.A. (2019). **CRISPR/dCas9 platforms in plants: strategies and applications beyond genome editing.** DOI: 10.1111/pbi.13232
- Margulis, L. Dolan, M.F. and Guerrero, R. (2000). **The chimeric eukaryote: Origin of the nucleus from the karyomastigont in amitochondriate protists.** PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES 97: 6954-6959.
- Marin-Gónzalez, E. and Suárez-Lopez, E. (2012). **"And yet it moves": Cell-to-cell signaling by plant microRNAs.** PLANT SCIENCE 106, 18-30.
- Mattick, J.S. (1995). **Introns: evolution and function.** CURRENT BIOLOGY 23: 823-831.
- Mollinier, J. et al. (2006). **Transgeneration memory of stress in plants.** NATURE doi:10.1038/nature05022.
- Orgel, L.E. (2005). **Pre-biotic chemistry and the origin of the RNA world.** CRITICAL REVIEWS IN BIOCHEMISTRY AND MOLECULAR BIOLOGY 39:99-123.
- Pace, N.R. (1997). **A molecular view of microbial diversity and the biosphere.** SCIENCE 276:734-740.
- Pearson, H. (2006). **What is a gene?** NATURE 441:399-401.
- Pellicer, J. et al. (2010). **The largest eukaryotic genome of them all?** BOTANICAL JOURNAL OF THE LINNEAN SOCIETY
- Pyott, D.E. and Molnar, A. (2015). **Going mobile: Non-cell-autonomous small RNAs shape the genetic landscape of plants.** PLANT BIOTECHNOLOGY JOURNAL (2015) 13, pp. 306–318.
- Roberts, R.R. (2005). **How restriction enzymes became the workhorses of molecular biology.** PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES 102(17):5905-5908.
- Saurabh, S. et al. (2014). **RNA interference: Concept to reality in crop improvement.** Planta 239:543-564.
- Schnee, C. et al. (2006). **The products of a single maize sesquiterpene synthase form a volatile defense signal that attracts natural enemies of maize herbivores.** PROCEEDINGS OF THE NATIONAL ACADEMY OF SCIENCES 103(4):1129-1134.
- Schommer, C. et al. (2008). **Control of jasmonate biosynthesis and senescence by miR319 targets.** PLOS BIOLOGY 6(9), e230.
- Shahid, S. et al. (2018). **MicroRNAs from the parasitic plant Cuscuta campestris target host messenger RNAs.** NATURE 553, doi:10.1038/nature25027.
- Sweetlove, L. (2020). **The journey to the end of the chromosome: delivering active telomerase to telomeres in plants.** The Plant Journal (2019) 98, 193–194.
- Tycowski K. T. et al. (1996). **A mammalian gene with introns instead of exons generating stable RNA products.** NATURE 379, 464-466.
- Vaucheret, H. and Chupeau, Y. (2012). **Ingested plant miRNAs regulate gene expression in animals.** CELL RESEARCH 22, 3-5.
- Wilmut, I. et al. (1997). **Viable offspring derived from fetal and adult mammalian cells.** NATURE 385, 810-813.
- Woese, C.R. (2004). **A New Biology for a New Century.** MICROBIOLOGY AND MOLECULAR BIOLOGY REVIEWS 68, 173–186.
- Wu, K-M. et al. (2008). **Suppression of Cotton Bollworm in Multiple Crops in China in Areas with Bt Toxin-Containing Cotton.** SCIENCE 321, 1676-1678.
- Zhang, L. et al. (2011). **Exogenous plant MIR168a specifically targets mammalian LDLRAP1: evidence of cross-kingdom regulation by microRNA.** Cell Research 22, 107-126



Documento assinado eletronicamente por **CLEVERSON DINIZ TEIXEIRA DE FREITAS**, Coordenador de Pós-Graduação, em 11/03/2021, às 16:17, conforme horário oficial de Brasília, com fundamento no art. 6º, § 1º, do [Decreto nº 8.539, de 8 de outubro de 2015](#).



A autenticidade deste documento pode ser conferida no site https://sei.ufc.br/sei/controlador_externo.php?acao=documento_conferir&id_orgao_acesso_externo=0, informando o código verificador **1837272** e o código CRC **B0C01476**.

Referência: Processo nº 23067.007987/2021-57

SEI nº 1837272